



# TaqMan® SNP Genotyping Assays

---

インターネット検索方法

2010/04/23





# 目次

- TaqMan® SNP Genotyping Assays の概要 ----- 3
- 検索方法の流れ ----- 4
- TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 ----- 5
- TaqMan® SNP Genotyping Assays オーダー方法 ----- 11
- そのほかの検索方法 ----- 19

# TaqMan® SNP Genotyping Assaysの概要

- SNPスクリーニング、疾患関連遺伝子候補領域探索、遺伝子絞込みのファインマッピング研究に最適。
- SNP領域を検出するPCRプライマーとアレルを識別するTaqManプローブを1本のチューブで提供。ゲノムDNAと試薬に混合するだけなので、条件検討やアッセイ構築の必要がありません。
- 高い再現性と信頼性に優れた正確な結果を提供する、試薬デザイン。

TaqMan® SNP Genotyping Assays は、高い信頼性をもつSNPタイピング試薬です。簡便なアッセイで再現性の高いSNPタイピングが可能です。プライマーと2種類のTaqManプローブを利用してリアルタイムPCRシステムで解析します。目的のアッセイは、およそ450万種類のTaqMan® SNP Genotyping Assaysから簡単に選択できます。

遺伝子名やキーワード、ゲノム領域など、様々な情報から目的のアッセイを簡単に検索できます。

# 検索方法の流れ

- TaqMan® SNP Genotyping Assay を検索するには？

- 以下のサイトへアクセスします。

<https://products.appliedbiosystems.com/ab/en/US/adirect/ab?cmd=ABGTKkeywordSearch&catID=600769>

ユーザーIDをお持ちでない方は、以下のアプライドバイオシステムズジャパン社ホームページの『インターネットオーダーシステムご利用案内』よりユーザーIDの登録をお願いします。

- 以下のサイトへアクセスします。

<http://www.appliedbiosystems.co.jp/website/jp/store/pages.jsp?PGCD=15>

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – キーワード検索 1

1. “Keyword Search”を選択します。
2. Inのプルダウンメニュー▼をクリックして**必要に応じて**検索情報フィールドを選択します。
3. “Search forにキーワードを入力します。キーワードの一部しか分からない場合は、入力したキーワードの後に\*を入力することで曖昧検索ができます。
4. 動物種を指定します。
5. 必要に応じて、該当するチェックボックスをチェックします。
6. 「Search」ボタンをクリックします。

Ordering Information **Assay Search** Product Description Specifications Literature/Support

To begin, select a search method below :

- **Keyword:** Search by gene symbol, gene name, public accession number, biological process, or molecular function.
- **Batch ID:** Search by uploading a file containing multiple assay IDs, RefSeq accession numbers, GenBank GI #s, LocusLink IDs, gene symbols.

**Keyword Search** Batch ID Search

Search for  in

Disable wildcard search  include 10KB flanking region

[Advanced Keyword Search](#)

**Choose Set Membership**

- Search All SNP Genotyping Assays
- Limit Assay Sets to:  AB-Validated Assays  HapMap  JSNP  DME

**Choose Species**

- H. sapiens
- M. musculus

**Choose SNP Type**

- Search All SNP Genotyping Assays
- Intergenic/Unknown
- Intragenic
- Limit Assay Sets to:  Insertion/Deletion  Coding Missense  5' UTR  Acceptor splice site
- Multiple Nucleotide Polymorphism  Coding Nonsense  3' UTR  Donor splice site
- Pseudoautosomal XY SNP  Coding Silent  5' putative  Intron
- 3' putative

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 - キーワード検索 2

6. 検索結果が表示されます。

使用した検索キーワードと検索結果が表示されます。

Your search for 'CYP2C\* in All Text' returned 290 results.  
You can either [search within these results](#) or click [Search Again](#) below to refine your original search.

(Species = Homo sapiens, Allele Freqs = All defaults SNP Types = All SNP types Assay S...

[Search Again](#) Previous | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 |

Please Log In to add products to your Shopping Basket/Favorites, [configure a product](#), or to view products available for purchase in your country.

**Export Results** 25 items/page

Assay ID	Availability	Assay Type	dbSNP	SNP Type
1. C__1980216_10 <a href="#">Alignment Map</a>	Made to Order	Functionally Tested	rs7898763	CYP2C18 cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18 Intron Transition Substitution
2. C__1329181_10 <a href="#">Alignment Map</a>	Made to Order	Functionally Tested	rs12772675	CYP2C9 cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 9 Intron Transversion Substitution
3. C__1329174_10 <a href="#">Alignment Map</a>	Made to Order	Functionally Tested	rs10786177	CYP2C18 cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18 Intron Transition Substitution
4. C__16184603_10 <a href="#">Alignment Map</a>	Made to Order	Functionally Tested	rs2296679 IMS-JST050949	CYP2C18 cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18 Intron Transition Substitution

Inventoriedまたは Made-to-Orderの表示

アッセイタイプの表示

Assay IDリンクをクリックし、着目する SNPのより詳細な情報を確認

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 - キーワード検索 3

## アッセイタイプの確認

Availabilityが**Made to Order**のアッセイ  
TaqMan® SNP Genotyping Assays, non-Inventoried

Availabilityが**Inventoried**のアッセイ

TaqMan® Drug Metabolism Genotyping Assays

もしくは

TaqMan® SNP Genotyping Assays, Inventoried

<input type="checkbox"/>	Assay ID	Mapped ID	Availability	Assay Type
<input type="checkbox"/>	1. C__11977340_10	C__11977340_10	Made to Order	Functionally Tested
<input type="checkbox"/>	2. C__31601814_10	C__31601814_10	Inventoried	DME
<input type="checkbox"/>	3. C__25802829_10	C__25802829_10	Inventoried	Validated
<input type="checkbox"/>	4. C__7449206_10	C__7449206_10	Inventoried	Functionally Tested

TaqMan® SNP Genotyping Assays, non-Inventoried

TaqMan® Drug Metabolism Genotyping Assays

TaqMan® SNP Genotyping Assays, Inventoried

注) non-Inventoried Assays、Inventoried Assays、Drug Metabolism Genotyping Assaysは、商品番号、価格、反応数および納期に違いがあります。

## 7. アッセイの詳細情報画面

Alignment Mapをクリックすると、NCBIゲノム地図上でアッセイのマッピング情報が確認できます(次ページ)。

アッセイID

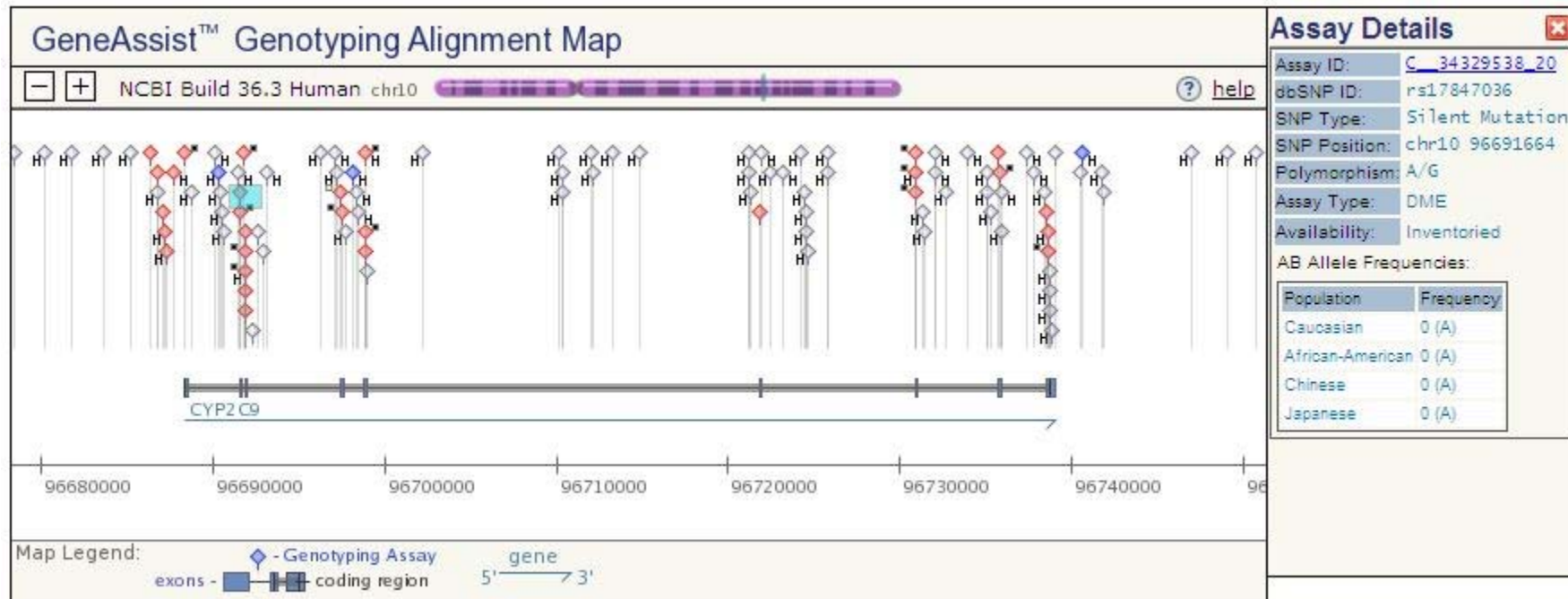
アッセイIDに対応する各種情報の表示。

- db SNPに登録されているSNP情報(ssxxxxxx)
- NCBI ゲノム上でのSNPの位置
- マイナーアレルフリケンシー(SNPの頻度情報。情報のあるアッセイのみ)
- ポリモリフィズム(A/G等)

Gene Symbol	Gene Name (Entrez)	SNP Type	SNP > Transcript Location	Transcript Accession	Code	Chan
CYP2C9	cytochrome P450, family 2,	Silent Mutation	253	NM_000771.3	GTA,GTG	V76V NP_C

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – Alignment Map

## Alignment Map での確認



Alignment Map でNCBIゲノムにマップされた情報をグラフィカルに確認することができます。

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 - 検索結果へ

Ordering Information **Assay Search** Product Description Specifications Literature/Sup

[Return to Search Results](#)

Assay ID C\_34329538\_20 [Alignment Map](#) ⓘ

dbSNP ID rs17847036

Availability *Inventoried*

Assay Type DME

Please [Log In](#) to add products to your Shopping Basket/Favorites, [configure a product](#), or to view product in your country.

**Additional Information** ⓘ

dbSNP ss #	ss105437929 , ss28501338 , ss28501338	
Location (NCBI Build 36)	Chr. 10 - 96691664	
Minor Allele Frequency	AB Caucasian - 0.0 (A) African-American - 0.0 (A) Chinese - 0.0 (A) Japanese - 0.0 (A)	HapMap CEPH (CEU) -- Yoruba (YRI) -- Han Chinese (HCB) -- Japanese (JPT) --
Allele nomenclature	CYP2C9,g.3235G>A	
Species	Homo sapiens	
Set Membership	Validated, DME, Inventoried	
Context Sequence ([VIC/FAM])	ATTTTGGCCTGAAACCCATAGTGGT[A/G]CTGCATGGATATGAAGC	
Phenotype	MIM: 601130	
Literature Links	<a href="#">CYP2C9 PubMed links</a>	
Polymorphism	A/G, Transition Substitution	

Gene Symbol	Gene Name (Entrez)	SNP Type	SNP - v Transcript Location	Transcript Accession	Codon Change	Amino Acid Change ⓘ	Pro
CYP2C9	cytochrome P450, family 2,	Silent Mutation	253	NM_000771.3	GTA,GTG	V76V	NP_C

Return to Search Resultsで  
検索結果画面に戻ります。

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 1



Japan

[Store Log In](#)

[My Account](#)

[My Baskets/Orders](#)

[Quick Order](#)

Home Products Applications & Technologies Services Support Learning & Events [Store Help](#)

Welcome

Products & Services > Genotyping > SNP Genotyping Assays

ログインしていない場合は、  
Store Log Inします。

## TaqMan® SNP Genotyping Assays

Click a tab below to learn more about TaqMan SNP Genotyping Assays. To find and order assays, click the Search tab.

Made to Order TaqMan® SNP Genotyping Assays are now offered in multiple scales: Small, Medium, and Large. Once you select your assays and place them in your Shopping Basket, and if multiple scales are available for those assays, you may select their scales in the Shopping Basket.

If you wish to order more than one [scale](#) for the same assay, please re-enter your Assay ID and quantity. You may then select its [scale](#) in your Shopping Basket.

Ordering Information **Assay Search** Product Description Specifications Literature/Support Related Products

Your search for 'CYP2C\* in All Text ' returned 63 results.  
You can either [search within these results](#) or click **Search Again** below to refine your original search.

(Species = Homo sapiens, Allele Freqs = All defaults SNP Types = All SNP types Assay S...

[Search Help](#)

[Search Again](#)

Previous | [1](#) | [2](#) | [3](#) | Next

Please Log In to add products to your Shopping Basket/Favorites, **configure a product**, or to view products available for purchase in your country.

[Export Results](#)

25 items/page

		Assay ID	Availability	Assay Type	dbSNP   JSNP ID	Gene Symbol	Gene Name	SNP Type	Minor Allele Freq	
									AB	Caucas
									HapMap	CEPH
<input checked="" type="checkbox"/>	1.	C_34329538_20 Alignment Map	Inventoried	DME	rs17847036	CYP2C9	cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 9	Silent Mutation Transition Substitution	- AB	- 0.0 (A)

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 2

## Store Log In

Use this page to register and/or login to the Applied Biosystems Store. If you have [Us](#).



Store Log In

To login to the Applied Biosystems Store; enter your Username and Password below, and then click **Login**.

Username

Password

**Login**

**Username/Passwordは、インターネットオーダー用のユーザーIDを使用  
(4ページ参照)**

**Username・Passwordを入力後、Loginをクリック**

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 3

Your search for 'CYP2C\* in All Text ' returned 63 results.  
You can either [search within these results](#) or click **Search Again** below to refine your original search.

(Species = Homo sapiens, Allele Freqs = All defaults SNP Types = All SNP types Assay S...

**Search Again**

② Add to Basketをチェック

My Basket 2010/01/11 20:39:3: **Add to Basket** **Save to Workspace** **Export Results**

① 必要なアッセイのチェックボックスをチェック

<input type="checkbox"/>	Assay ID	Availability	Assay Type	dbSNP   JSNP ID	Gene Symbol	Gene Name
<input checked="" type="checkbox"/>	1. C_34329538_20 Alignment Map	Inventoried	DME	rs17847036	CYP2C9	cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 9
<input type="checkbox"/>	2. C_34329281_10 Alignment Map	Inventoried	DME	rs72558183	CYP2C18	cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18
<input type="checkbox"/>	3. C__7538986_50 Alignment Map	Inventoried	DME	rs2281891 IMS-JST030660 IMS-JST030660	CYP2C18	cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18
<input type="checkbox"/>	4. C_34328317_30 Alignment Map	Inventoried	DME	rs17847032	CYP2C9	cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 9
<input type="checkbox"/>	5. C_30634130_30	Inventoried	DME	rs41291556	CYP2C19	cytochrome P450, family

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 4

## TaqMan® SNP Genotyping Assays

Click a tab below to learn more about TaqMan SNP Genotyping Assays. To find and order assays, click the Search tab.

Made to Order TaqMan® SNP Genotyping Assays are now offered in multiple scales: Small, Medium, and Large. Once you select your assays and place them in your Shopping Basket, and if multiple scales are available for those assays, you may select their scales in the Shopping Basket.

If you wish to order more than one [scale](#) for the same assay, please re-enter your Assay ID and quantity. You may then select its [scale](#) in your Shopping Basket.



ShoppingBasketをクリック

Ordering Information   **Assay Search**   Product Description   Specifications   Literature/Support

Your search for 'CYP2C\* in All Text ' returned 63 results.  
You can either [search within these results](#) or click **Search Again** below to refine your original search.

(Species = Homo sapiens, Allele Freqs = All defaults SNP Types = All SNP types Assay S...

**Search Again**

My Basket 2010/01/11 20:39:3: **Add to Basket** **Save to Workspace** **Export Results**

<input type="checkbox"/>	Assay ID	Availability	Assay Type	dbSNP   JSNP ID	Gene Symbol	Gene Name	SNP Type
<input type="checkbox"/>	1. C_34329538_20 Alignment Map	Inventoried	DME	rs17847036	CYP2C9	cytochrome P450, family 2, subfamily C,	Silent Mutation Transition Substituti

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 5

数量の更新 – ショッピングバスケット内の製品の注文数を変更した場合、このボタンを押して下さい。

削除 – 注文した製品1つ、もしくは複数削除することができます。

ご注文を先に進める場合、『次へ』ボタンを押します。

削除 数量の更新

バスケット内容をEメール送信

次へ

「お申し込み」ページの「ご注文」ボタンをクリック後、キャンセルすることはできません。予めご了承下さい。Order Cancellation と Return Policy をご参照下さい。

スケールの一括変更 (該当商品のみ) Select Scale For All

Select	製品	Product Number	数量	定価(一式)
<input type="checkbox"/>	<p>1. TaqMan® Drug Metabolism Genotyping Assays</p> <p>Gene Name: cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 9</p> <p>Scale: S:188 µL;20X</p> <p>出荷予定日 (2010/04/29) 本メールの出荷予定日は自動的に米国出荷予定日が計算され、記載されております。実際の納期につきましては出荷予定日より前後する場合がございます。</p>	4362691	<input type="text" value="1"/>	JPY 59000
<input type="checkbox"/>	<p>2. TaqMan® SNP Assays, Human SM</p> <p>Gene Name: cytochrome P450, family 2, subfamily C, polypeptide 18</p> <p>Assay ID: C__19802_16_10</p> <p>Category: Chromosome 10</p> <p>Gene Group: D10S185-D10S1709</p> <p>Qty/Pkg: 188 µL</p> <p>Scale: S:188 µL;40X</p> <p>出荷予定日 (2010/05/03) 本メールの出荷予定日は自動的に米国出荷予定日が計算され、記載されております。実際の納期につきましては出荷予定日より前後する場合がございます。</p>	4351379	<input type="text" value="1"/>	JPY 52000

検索した製品の詳細情報を見ることができます。

数量を変更することができます。

Mase to Orderアッセイは、スケールを変更することができます。

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 6

「出荷情報」ページが表示されます。

お支払方法を確認後、次へをクリックして、ご注文を続けます。

## • お支払方法について:

お支払方法のPurchase Orderの表示、Blanket Orderの空欄はそのまま変更しないでください。

お名前には、登録ユーザーのお名前を半角のアルファベットでご入力下さい。

## 出荷情報

下記の出荷情報をご確認下さい。  
こちらに関するお問い合わせ、ご質問は、「ヘルプ(注文)」をご覧ください。 弊社営業時間内9:00 am - 5:30 pm に Eメール JPOrderAdminCS@appliedbiosystems.com または、お電話 03-5566-6700 にてお問い合わせ下さい。

特に次の点をご確認下さい。

- お客様情報(所属名、住所等)をご確認下さい。
- "お支払方法"の箇所は必ず"お名前(アルファベット)で記入して下さい"のとこに半角英文字でお名前をお名前をご入力下さい。

\*このご注文は、弊社の定める標準販売条件に従うものとします。

\*入力必須項目

1 Shopping Basket 2 Shipping & Billing 3 Summary 4 Confirmation

② [ヘルプ\(注文\)](#)

前へ

次へ

「Summary」ページの「ご注文」ボタンをクリック後、キャンセルすることはできません。予めご了承下さい。 [Order Cancellation](#) と [Return Policy](#) をご参照下さい。

## 出荷先住所

[日本語表記住所への変換](#)

Organization	Applied Biosystems Japan Ltd.	PO Box Postal Code	
Department	<input type="text"/>	City	Chuo-ku,
Attention	<input type="text"/>	District	Tokyo
Building/Room	<input type="text"/>	Postal Code	1040032
Street Address	4-5-4, Hatchobori,	Country	Japan
PO Box			

## お客様情報

## お支払方法

お支払方法*	<input type="text" value="Purchase Order"/>
Blanket Order	<input type="text"/>
お名前(アルファベットで記入して下さい)*	<input type="text" value="Taro Yamada"/>

# TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 7

ご注文の確認を行います。

ご注文を完了するには、『ご注文』ボタンをクリックします。

内容を修正したい場合は、『戻る』ボタンをクリックします。

## ご注文の確認

ご注文を完了する前にご注文内容のご確認をお願いします。変更したい箇所がございましたら、下にある“戻る”ボタンをクリックしてください。ご確認が完了しましたら、下にある“ご注文”ボタンをクリックしてください。

ご注文に関するお問い合わせ、ご質問は、「ヘルプ(注文)」をご覧ください。弊社営業時間内 9:00 am - 5:30 pm | Eメール JPOrderAdminCS@appliedbiosystems.com または、お電話 03-5566-6700 | にてお問い合わせ下さい。

\*このご注文は、弊社の定める [標準販売条件](#) に従うものとします。

[ヘルプ\(注文\)](#)

戻る

ご注文

「Summary」ページの「ご注文」ボタンをクリック後、キャンセルすることはできません。予めご了承下さい。[Order Cancellation](#)と[Return Policy](#)をご参照下さい。

### 配送先住所

[日本語表記住所への変換](#)

Organization Applied Biosystems Japan Ltd.

Department

PO Box Postal Code  
City

Chun-ku

### お支払方法

Blanket Order Number:

お名前(アルファベットで記入して下さい): Taro Yamada

## TaqMan® SNP Genotyping Assays – オーダー方法 8

- ご注文ボタンを押すとご注文の確認ページが表示されます。
  - ご注文が完了し、受注伝票番号が発行されます。
  - 受注伝票番号が表示されます。番号をお控えください。
  - 印刷用ページボタンを押すと印刷画面が表示されます。
  - ご登録いただいたお客様のe-mailアドレスに確認メールが送信されます。

Applied Biosystems

Store Log Out My Account  
Shopping Basket Order Inquiry

SEARCH  
All Sections

Home Products & Services Support About Us

Quick Order Favorites Workspace Manage Shopping Baskets Promotions/Quotes Store Help

1 Shopping Basket 2 Shipping & Billing 3 Summary 4 Confirmation

### ご注文の確認: 受注伝票番号 185952341

ご注文ありがとうございました。お客様の受注伝票番号は 185952341 になります。お問い合わせ時に必要となりますのでお控えいただきようお願い申し上げます。

[印刷用ページ](#) [ヘルプ\(注文\)](#)

- このご注文確認ページはお客様のEメールアドレス [yamada@appliedbiosystems.com](mailto:yamada@appliedbiosystems.com) に送信されます。印刷をご希望される場合、印刷用ページをクリックしますと印刷しやすいページが表示されますのでご利用下さい。
- ご注文製品の配達状況は [Order Inquiry](#) 画面でご確認頂けます。

※ オーダーメイド製品はキャンセルすることができません。ご了承下さい。 [Order Cancellation](#) と [Return Policy](#) をご参照下さい。

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – Advanced Search 1

## キーワード検索機能の“Advanced Search”を利用する場合

キーワード検索画面の“Advanced Search”をクリックすると、下記のようなオプションキーワード入力画面が出てくるので必要に応じて複数のキーワードを追加入力します。

The screenshot displays the 'Assay Search' tab of a web application. At the top, there are navigation tabs: 'Ordering Information', 'Assay Search' (active), 'Product Description', 'Specifications', and 'Literature/Support'. Below the tabs, a message reads: 'To begin, select a search method below :'. Two search methods are listed: '- Keyword: Search by gene symbol, gene name, public accession number, biological process, or molecular function.' and '- Batch ID: Search by uploading a file containing multiple assay IDs, RefSeq accession numbers, GenBank GI #s, LocusLink IDs, gene symbols.' Below this, there are two tabs: 'Keyword Search' (active) and 'Batch ID Search'. Under 'Keyword Search', there is a 'Search for' input field, an 'in' dropdown menu set to 'All Text', and two checkboxes: 'Disable wildcard search' and 'include 10KB flanking region'. A red box highlights a link labeled 'Advanced Keyword Search'. Below this link, a blue box highlights a section containing three identical search rows. Each row starts with an 'And' dropdown, followed by a dropdown menu set to 'the exact phrase', an empty text input field, and an 'in' dropdown menu set to 'All Text'. At the bottom right of the form are 'Search' and 'Reset' buttons.

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – Advanced Search 2

## キーワード検索機能でさらに条件を絞りこむ場合

### 検索対象を選択

- All SNP Genotyping Assays
- Limit Assay Sets to:
  - ✓ AB-Validated Assays
  - ✓ HapMap
  - ✓ JSNP
  - ✓ DME

### SNP Typeを選択

### マイナーアレル頻度を選択

**Choose Set Membership** ⓘ

Search All SNP Genotyping Assays

Limit Assay Sets to:

- AB-Validated Assays
- HapMap
- JSNP
- DME

**Choose Species** ⓘ

H. sapiens

M. musculus

**Choose SNP Type** ⓘ

Search All SNP Genotyping Assays

Intergenic/Unknown

Intragenic

Limit Assay Sets to:

- Insertion/Deletion
- Coding Missense
- 5' UTR
- Acceptor splice site
- Multiple Nucleotide Polymorphism
- Coding Nonsense
- 3' UTR
- Donor splice site
- Pseudoautosomal XY SNP
- Coding Silent
- 5' putative
- Intron
- 3' putative

**Choose Minor Allele Frequency Ranges** ⓘ

All populations and frequencies (default):  -

	Minimum	Maximum		Minimum	Maximum
<input type="checkbox"/> AB			<input type="checkbox"/> Hapmap		
<input type="checkbox"/> Caucasian:	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>	<input type="checkbox"/> CEPH (CEU):	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>
<input type="checkbox"/> African-American:	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>	<input type="checkbox"/> Yoruba (YRI):	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>
<input type="checkbox"/> Chinese:	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>	<input type="checkbox"/> Han Chinese (HCB):	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>
<input type="checkbox"/> Japanese:	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>	<input type="checkbox"/> Japanese (JPT):	<input type="text" value="0.0"/>	<input type="text" value="0.5"/>

Search

Reset

# TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – Batch IDサーチ 1

## Batch IDでの検索機能を利用する場合

Batch IDサーチの機能を利用すれば、複数のアッセイを同時に検索することができます。検索したいSNPが複数あり、対応するdb SNP ID情報を持っているような場合に効果的です。Batch IDサーチには、複数のIDを直接入力する検索方法(オプション1)と、保存されたファイルを読み込みませて検索する方法(オプション2)があります。

### 1. “Batch ID Search”をクリックします。

The screenshot displays the 'Assay Search' tab of a web application. At the top, there are navigation tabs: 'Ordering Information', 'Assay Search' (active), 'Product Description', 'Specifications', and 'Literature/Support'. Below the tabs, a message reads: 'Choose from any of the options below to create your SNP Genotyping assay search.' Two search methods are listed: '- Keyword: Search by gene symbol, gene name, public accession number, biological process, or molecular function.' and '- Batch ID: Search by uploading a file containing multiple assay IDs, RefSeq accession numbers, GenBank GI #s, LocusLink IDs, gene symbols.' Below this, there are two search options. 'Option 1 Enter IDs' is selected, and its 'Batch ID Search' button is highlighted with a red rectangle. Below the text input field for Option 1, it says 'Separate IDs with a space or comma, or press Enter after each ID.' and 'Supported IDs'. 'Option 2 Upload IDs' is unselected. It includes a file upload button labeled '参照...', a dropdown menu for 'Select File Type' set to 'ID List', and a help icon. Below the dropdown, it states: 'The following file types are supported: ANSI files with extension .txt or .txtN (where N is a number) containing either a list of IDs or the exported results from a previous assay search.' At the bottom right, there are 'Search' and 'Reset' buttons.

## TaqMan® SNP Genotyping Assays 検索方法 – Batch IDサーチ 2

### Batch IDでの検索機能を利用する場合

- オプション1: 複数のIDを入力します(コンマ、スペース、リターンで区切る)。
- オプション2: “参照”ボタンをクリックして、お客様のローカルPCに保存されているIDリスト、もしくは以前にサーチして得られたアッセイリストのExportファイルを読み込みます。

Keyword Search Batch ID Search

Option 1 Enter IDs

Separate IDs with a space or comma, or press Enter after each ID.

Supported IDs

Option 2 Upload IDs

参照..

Select File Type ID List

The following file types are supported: ANSI files with extension .txt or .txtN (where N is a number containing either a list of IDs or the exported results from a previous assay search.)

Search Reset

#### Supported IDs

dbSNP reference cluster or assay ID:

<例> "rs2956" or "ss2985015"

JSNP ID:

<例> "IMS-JST016078"

Celera hCV:

<例> "hCV2697070"

AB Assay ID:

<例> "C\_\_2697070\_1\_"

Gene symbol:

<例> "CALCA\*\*"

RefSeq accession number:

<例> "NM\_005795"

Celera Gene (hCG):

<例> "hCG31426"

- “Search”ボタンをクリックします。

検索後のご注文方法は、P.11 オーダー方法を参照ください。



研究用にのみ使用できます。診断目的およびその手続き上での使用は出来ません。

The PCR process and 5' nuclease process are covered by patents owned by Roche Molecular Systems, Inc. and F. Hoffmann-La Roche Ltd.

TaqMan is a registered trademark of Roche Molecular Systems, Inc.

本誌に記載の社名および製品名は、弊社または各社の商標または登録商標です。